

个人简历

个人信息

姓名：李承军	性别：男	
出生年月：1987.02	民族：汉	
籍贯：安徽霍邱县	学位：博士	
专业：动物学	职称：助理研究员	
电话：15805174479	邮箱：lcj3314@163.com	
联系地址：镇江市京口区学府路 301 号 邮编：212013		

教育经历

起止年月	毕业学校	专业	学位
2012.09-2015.06	南京师范大学	动物学	博士
2009.09-2012.07	南京师范大学	动物学	硕士
2005.09-2009.07	淮南师范学院	生物科学	学士

工作经历

起止年月	工作单位	职务
2015.07月-2017.10	江苏大学食品与生物工程学院	博士后
2017.11-至今	江苏大学生命科学研究院	助理研究员

主要研究方向：昆虫分子生物学与功能基因组学

- 在全基因组测序昆虫中对基因家族（GPCRs、Myosin 等）进行鉴定和比较基因组学分析；
- 解析关键基因（methuselah-like、dusky、myosin 等）在昆虫生长发育中的作用及其信号通路；
- 鉴定昆虫生长和发育相关的 lncRNA。

承担项目

1. 国家自然科学基金青年基金“赤拟谷盗肌球蛋白 Dachs 影响翅膀和腿发育的下游基因及其调控关系”，项目批准号：31601893，主持，2017.01-2019.12（在研）；
2. 江苏省高校自然科学研究面上项目“赤拟谷盗 Dusky 调控翅膀发育的基因及其作用关系”，项目编号：16KJB180004，主持，2016.09-2018.08（在研）；
3. 中国博士后科学基金“肌球蛋白 Dachs 对赤拟谷盗翅膀和腿发育的影响及机制”，项目编号：2015M581729，主持，2015.09-2017.05（结题）；
4. 国家自然科学基金面上项目“油菜根发育相关基因的克隆与功能分析”，项目编号：31671720，参与，2017.01-2020.12（在研）；
5. 国家自然科学基金面上项目“赤拟谷盗蛛毒素受体 Latrophilin 的鉴定及其生理功能与进化适应性分析”，项目批准号：31572326，参与，2016.01-2019.12（在研）；
6. 国家自然科学基金面上项目“Methuselah like 受体对赤拟谷盗寿命与生殖的调控及其信号传导机制研究”，项目批准号：31172146，主要参与，2012.01-2015.12（结题）；
7. 江苏省普通高校研究生科研创新计划“赤拟谷盗 *methuselah-like1* 的功能和信号传导研究”，项目批准号：CXZZ13_0412，主持，2013.09-2014.09（结题）。

发表文章

1. **Chengjun Li**, Bin Li, Shangshang Ma, Peng Lü, Keping Chen. Dusky works upstream of four-jointed and forked in wing morphogenesis in *Tribolium castaneum*. **Insect Molecular Biology**, 2017, 26(6): 677-686. (SCI)
2. **Chengjun Li**, Xiaopei Yun, Xiaojuan Yu, Bin Li. Functional analysis of the circadian clock gene *timeless* in *Tribolium castaneum*. **Insect Science**, 2017, Jan 19. doi: 10.1111/1744-7917.12441. (SCI)
3. **Chengjun Li**, Xiaopei Yun, Bin Li. Dusky-like is required for epidermal pigmentation and metamorphosis in *Tribolium castaneum*. **Scientific Reports**, 2016, **6**, 20102-20102. (SCI)
4. **Chengjun Li**, Yi Zhang, Xiaopei Yun, Yanyun Wang, Ming Sang, Xing Liu, Xingxing Hu, Bin Li. 2014. Methuselah-like genes affect development, stress resistance, lifespan and reproduction in *Tribolium castaneum*. **Insect Molecular Biology**, 23(5), 587-597. (SCI)
5. **Chengjun Li**, Xiaowen Song, Xuhong Chen, Xing Liu, Ming Sang, Wei Wu, Xiaopei Yun, Xingxing Hu, Bin Li. 2014. Identification and comparative analysis of G protein-coupled receptors in *Pediculus humanus humanus*. **Genomics**, 104, 58-67. (SCI)
6. **Chengjun Li**, Wei Wu, Ming Sang, Xing Liu, Xingxing Hu, Xiaopei Yun, Bin Li. 2014. Comparative RNA-sequencing analysis of *mthl1* functions and signal transductions in *Tribolium castaneum*. **Gene**, 547, 310-318. (SCI)
7. **Chengjun Li**, Xiaopei Yun, Xingxing Hu, Yi Zhang, Ming Sang, Xing Liu, Wei Wu, Bin Li. 2013. Identification of G protein-coupled receptors in the pea aphid, *Acyrtosiphon pisum*.

- Genomics**, 102, 345-354. (SCI)
8. **Chengjun Li**, Mei Chen, Ming Sang, Xing Liu, Wei Wu, Bin Li. 2013. Comparative genomic analysis and evolution of family-B G protein-coupled receptors from six model insect species. **Gene**, 519, 1-12. (SCI)
 9. Yaping Liu, **Chengjun Li**, Jingkun Gao, Wenlong Wang, Li Huang, Xuezhu Guo, Bin Li, Jianjun Wang. 2014. Comparative characterization of two intracellular Ca²⁺-release channels from the red flour beetle, *Tribolium castaneum*. **Scientific reports**, doi: 10.1038/srep06702. (SCI)
 10. Ming Sang, **Chengjun Li**, Wei Wu, Bin Li. 2016. Identification and evolution of two insulin receptor genes involved in *Tribolium castaneum* development and reproduction. **Gene**, 585, 196-204. (SCI)
 11. Yanyun Wang, **Chengjun Li**, Ming Sang, Bin Li. 2014. Tcmof regulates larval/pupal development and female fecundity in red flour beetle, *Tribolium castaneum*. **Archives of Insect Biochemistry and Physiology**, doi: 10.1002/arch.21207. (SCI)
 12. **李承军**, 王艳允, 刘幸, 桑明, 李斌. 2011. 赤拟谷盗功能基因组学研究进展. **应用昆虫学报**, 48(6): 1544-1552. (核心)
 13. 彭亚男, **李承军**, 李斌, 李卓玉. 2012. 敲减wingless/Wnt1基因表达对赤拟谷盗发育中的影响. **中国生物化学与分子生物学报**, 28 (8), 733-738. (核心)
 14. Yi Zhang, Shasha Gu, **Chengjun Li**, Wei Wu, Xiaopei Yun, Xingxing Hu, Bin Li. 2014. Identification and characterization of novel ER-based hsp90 gene in the red flour beetle, *Tribolium castaneum*. **Cell Stress Chaperones**, 19(5), 623-633. (SCI)
 15. Wei Wu, Qiuping Ren, **Chengjun Li**, Yanyun Wang, Ming Sang, Yi Zhang, Bin Li. 2013. Characterization and comparative profiling of MicroRNAs in a sexual dimorphism insect, *Eupolyphaga sinensis* Walker. **PloS One**, 8(4), e59016. doi: 10.1371/journal.pone.0059016. (SCI)